

LISTE DE SEQUENCES

<110> I.N.S.E.R.M.

<120> Moyens pour la régulation de la différenciation
hématopoïétique

<130> 1113

<140>

<141>

<160> 3

<170> PatentIn Ver. 2.1

<210> 1

<211> 21

<212> ADN

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description de la séquence artificielle:
primer_bind

<220>

<223> Description of Artificial Sequence: primer_bind

<400> 1

catgacaagg cctggcttcg a

21

<210> 2

<211> 21

<212> ADN

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Description de la séquence artificielle:
primer_bind

<400> 2

ggcgctccca cctgtagaac a

21

<210> 3

<211> 33

<212> ADN

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Description de la séquence
artificielle:primer_bind

<400> 3

tggacacac tggagctgga cgtgcgcgac ttt

33

<210> 4

<211> 33

<212> ADN

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Description de la séquence
artificielle:primer_bind

<400> 4

attgcagagc cagggctggg ggcagtcac agt

33

<210> 5

<211> 23

<212> ADN

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Description de la séquence
artificielle:primer_bind

<400> 5

tcagcaagaa ctgcaacaac agc

23

<210> 6

<211> 20

<212> ADN

<213> Séquence artificielle

<220>

<223> Description de la séquence
artificielle:primer_bind

<400> 6

gtgaggaaga tccagggcga

20

<210> 7
 <211> 270
 <212> ADN
 <213> Homo sapiens

<400> 7
 actctgacctt gtgcggctga gcttggggca gatcgatttg aatataacct gcggcttctg 60
 aggtgtattt cactgtgaga aaaatggctg ctacagcact tctgggacgg agggcgtctg 120
 cctctgcaag gctttcaata gcaccttggc cacaatggcc cagatggaga aagctctgag 180
 catcggtatt gagacctgca ggtatgggtt catagaaggc catgtggctg tttccgggat 240
 ccaccccaac tccatctgtg cagcaaacaa 270

<210> 8
 <211> 90
 <212> PRT
 <213> Homo sapiens

<400> 8
 Leu Cys Leu Val Pro Leu Ser Leu Ala Gln Ile Asp Leu Asn Ile Thr
 1 5 10 15
 Cys Arg Phe Ala Gly Val Phe His Val Gln Lys Asn Gly Arg Tyr Ser
 20 25 30
 Ile Ser Arg Thr Gln Ala Ala Asp Leu Cys Lys Ala Phe Asn Ser Thr
 35 40 45
 Leu Pro Thr Met Ala Gln Met Gln Lys Ala Leu Ser Ile Gly Phe Gln
 50 55 60
 Thr Cys Arg Tyr Gly Phe Ile Gln Gly His Val Val Ile Pro Arg Ile
 65 70 75 80
 His Pro Asn Ser Ile Cys Ala Ala Asn Asn
 85 90